文章编号:1673-1689(2011) 02-0287-08

乙醇发酵中酿酒酵母辅酶 NAD⁺ 及 NADH 测定方法

李骆冰, 王永红, 庄英萍, 储炬, 张嗣良*

(华东理工大学生物反应器工程国家重点实验室,上海 200237)

摘 要:乙醇发酵过程中酿酒酵母细胞辅酶 NAD⁺和 NADH 质量分数及其比例反映了胞内的氧 化还原状态和细胞代谢活性,具有重要的生理意义。作者主要研究了加热萃取、珠磨破碎、反复冻 融破碎3种方法对乙醇发酵过程酿酒酵母细胞辅酶 NAD⁺和 NADH 提取和测定的影响,提出基 于珠磨破碎、辅以加酸或碱并加热的萃取模式,以及合适的酶循环反应体系,从而建立了高效的胞 内 NAD⁺和 NADH 检测方法。

关键词:酿酒酵母; NAD⁺ / NADH; 珠磨破碎法; 酶循环法
 中图分类号: TQ 920.1
 文献标识码: A

Determination of Coenzyme NAD⁺ and NADH of Saccharomy ces cerevisiae Cells in Ethanol Production

LI Luo-bing, WANG Yong-hong, ZHUANG Ying-ping, CHU Zhu, ZHANG Si liang^{*} (State Key Laboratory of Bioreactor Engineering, East China University of Science and Technology, Shanghai 200237, China)

Abstract: Due to the importance of NAD^+ and NADH levels in the yeast metabolism , the determination of intracellular $NADH/NAD^+$ is a very interesting for ethanol production. In this study, Three $NADH./NAD^+$ extracting methods, including heating, freeze-thaw cycles, shaking bead, for the disruption and extraction of the NAD^+ and NADH in yeast cells were investigated and compared. Finally an efficient process for extraction and detection of NAD^+ and NADH in yeast cells was established as follows. Yeast cells were disrupted by shaking bead while NAD^+ and NADH were extracted by acid or alkali, then the extracts were detected under the favorable enzymatic cycling system II.

Key words: Saccharomyces cerevisiae, NAD+/NADH, shaking bead, enzymatic cycling

 NAD^{+} (氧化型烟酰胺腺嘌呤二核苷酸)和 NADH(还原型烟酰胺腺嘌呤二核苷酸)是酵母发 酵产乙醇代谢过程中的一对极为重要的氧化还原 代谢辅酶¹⁻²¹。在酵母细胞内 NAD⁺ 和 NADH 二

基金项目:上海市重点学科建设项目(B505)。

* 通信作者: 张嗣良(1940 –), 男, 浙江瑞安人, 教授, 博士研究生导师, 主要从事发酵过程优化方面的研究。 Email: siliangz@ ecust.edu. cn

收稿日期: 2010-01-20

者相互转化,同化或异化过程都会导致 NAD⁺ 被还 原为 NADH,为维持细胞内的氧化还原平衡, NADH 需被重氧化。酵母细胞中存在至少 5 条 NADH 重氧化代谢途径,如乙醇生成途径,甘油生 成途径等,酵母细胞内的 NAD⁺ 和 NADH 水平一 定程度上决定着细胞内的代谢流分布^[3]。酵母细 胞内的 NAD⁺ 和 NADH 比例不仅调节着氧化还原 平衡,而且是细胞的代谢活性指标,在代谢过程及 控制上有着极为重要的作用^[4]。酵母细胞内的 NAD⁺ 和 NADH 水平与细胞所处环境的氧化还原 状态息息相关,在乙醇发酵过程中可通过控制胞外 氧化还原状态来调节细胞的生长及产物生成^[5]。 因此考察乙醇发酵过程中细胞内 NAD⁺ 和 NADH 水平对了解细胞代谢有举足轻重的作用。

检测酵母细胞内辅酶 NAD⁺ 和 NA DH 的关键 步骤为: 胞内辅酶的高效提取及辅酶含量的准确测 定。辅酶的提取方法主要有酸碱加热提取^[6,7], 细 胞破碎提取^[8]等, 针对不同种类不同发酵体系的细 胞提取方法不能通用。关于酿酒酵母辅酶 NAD⁺ 和 NADH 提取方法众说纷纭, 并且辅酶分子自身 不够稳定, 因此探讨乙醇发酵体系中辅酶的提取方 法显得尤为重要。

目前测定微生物细胞内 NAD⁺ 和 NADH 采用 的方法有 HPLC、荧光法及酶循环法^[8-12]。利用 HPLC 测定辅酶时,样品处理对测定影响较大,样 品处理过程中积累的盐离子及发酵液中的蛋白质 对测定均有较大干扰,导致检测灵敏度降低^[10]。荧 光法相对成本更高,降低了使用的可能性。酶循环 测定方法反应温和,无污染,灵敏度高且操作简便。

酶循环法的反应原理见图 1^[8]。



图 1 定量测定 NAD⁺ 和 NADH 的反应程序

Fig. 1 Reaction scheme for quantitative determination of the levels of NAD^+ and NADH

其中ETOH、ALD、PES、MTT和Formazan分 别为乙醇、乙醛、吩嗪乙基硫酸盐、噻唑蓝和甲簪。 当体系中存在以上底物及辅酶NAD⁺和NADH 时,在乙醇脱氢酶(ADH)催化作用下,辅酶参加循 环反应直至底物消耗完。反应过程中不断生成蓝 色的物质甲簪(Formazan),从而使体系在570 nm 下的吸光值不断发生变化^[13]。在一定温度及反应 时间内,酶反应速率与样品中辅酶浓度呈线性关 系。据此,通过与标准品的反应速率进行对比,能 够准确测得样品中辅酶的浓度。基于此反应原理, 作者主要目的在于研究酿酒酵母细胞内辅酶 NAD⁺和NADH的提取方法,并建立合适的酶循 环反应体系,最终建立一套完善高效的酵母细胞内 辅酶NAD⁺和NADH 检测方法。

1 材料与方法

1.1 试剂

ADH、MTT、PES、Bicine: 均购买自 Sigma 公 司;乙醇等其余试剂:均为分析纯,购买自国药集团 公司。

1.2 培养基

 1.21 种子培养基组成(组分g/dL) 葡萄糖4, KH2PO4035, MgSO4•7H2O0075, (NH4)2SO4
 0.75; 微量元素1mL/L, 维生素溶液1mL/L^[14]。
 1.22 发酵培养基组成(组分g/dL) 葡萄糖10, KH2PO4035, MgSO4•7H2O0075, (NH4)2SO4
 0.75; 微量元素1mL/L, 维生素溶液1mL/L。
 1.23 微量元素组成(mg/L) EDTA30, ZnSO4
 •7H2O9.0, CoCl2•6H2O06, MnCl2•4H2O2, CuSO4•5H2O0.6, CaCl2•2H2O9.0, FeSO4•
 7H2O60, NaMoO4•2H2O0.8, H3BO320, KI
 0.2。

 24 维生素溶液组成(mg/L) Biotin 0 05, Calcium pantothenate 1, Nicotinic acid 1, Inositol 25, Thiamin • HCl 1, Pyridoxine • HCl 1, Paraaminobenzoic acid 0. 2。

1.3 培养方法

1.31 菌种活化及保藏 称取5g活性干酵母,置 于已灭菌的2g/dL的100mL葡萄糖溶液中,于30 ℃下孵育30min,活菌浓度为2×10⁸CFU/mL。活 化后的菌液稀释至一定的浓度,取100^µL涂布在 固体培养基上,获得单菌落,4℃保藏。

1.3.2 种子培养方法

 1) 一级种子培养:从平板上挑取一个单菌落, 接入已灭菌的 30 mL 种子培养基中,30 ℃,200
 r/min条件下培养16 h。

2) 二级种子培养: 将培养 16 h 的一级种子液 转入 120 mL 种子培养基中, 30 ℃、200 r/min 条件 下培养 16 h。

1.33 搖瓶 发酵条件 以 10% 接种体积分数接入 一级种子液, 500 mL 摇瓶装液量为 150 mL, 转速 200 r/min, 温度 30 ℃。

时间内, 酶反应速率与样品中辅酶浓度呈线性关 1.34 2.5 L 发酵罐批培养条件 以10% 接种体 © 1994-2012 China Academic Journal Electronic Publishing House. All rights reserved. http://www.cnki.net

积分数将二级种子液接入发酵培养基,2.5 L 发酵 罐装液量 1.5 L,搅拌转速为 250~300 r/min,温度 30 ℃,0~6 h 通气 0.2 vvm。分别于接种后 5 h 和 8 h 取样一次,每次取 3 份平行样品,测定发酵样品的 生物量及辅酶含量。

1.4 生物量测定

取 40 mL 发酵液置于已知重量干燥的 50 mL 离心管中, 10 000 r/min 下离心 10 min, 去上清液, 用无菌水清洗, 重复离心操作 2 遍。置于 60 ℃下 烘干至恒重后称重, 每个样品 3 个重复, 测酵母细 胞干重。

1.5 辅酶提取方法

1.5.1 辅酶 NAD⁺ 提取方法

方法 1:1 mL 样品加入 300 ^µL HCl(0 4 mol/L),50 [°]C加热 10 min,冷却至0 [°]C后用 KOH 溶液(0.2 mol/L)滴定中和,离心(12 000 r/min,10 min,4[°]C)保留上清液,立即用于酶循环反应测定。

2) 方法 2: 注入 1 mL HClO₄溶液中(35 g/dL, - 20 ℃),终止细胞代谢。0 ℃与- 20 ℃间反复冻 融,破坏细胞结构提取 NAD⁺ 同时破坏 NADH,实 验中考察不同的冻融次数对提取的影响。冻融结 束后冰浴条件下用 2 mol/L KOH 滴定调节提取液 pH 至 7. 0,离心(12 000 r/min, 10 min, 4 ℃) 保留 上清液,立即用于酶循环反应测定。

3) 方法 3: 注入 1 mL HClO₄溶液中(35 g/dL; - 20℃), 终止细胞代谢。加入等体积玻璃珠(D 0 5 mm), 30 s 振荡、30 s 冰浴重复操作, 70 ℃下保 温 7 min,破坏细胞及 NADH 的同时提取 NAD⁺, 考察反复振荡操作时间对提取的影响。细胞破碎 结束后冰浴条件下用 2 mol/L KOH 滴定调节提取 液 pH 至 7.0, 离心(12 000 r/min, 10 min, 4 ℃) 保 留上清液,进行酶循环反应测定。

1.5.2 辅酶 NADH 提取方法

方法 1:1 mL 样品加入 300 ^µL KOH(0 4 mol/L),50 [∞]C加热 10 min, 冷却至 0 [∞]C后用 HCl (0.2 mol/L)滴定中和至 pH 7.0,离心(12 000 r/min,10 min,4 [∞])保留上清液,立即进行酶循环反应测定。

2) 方法 2:3 mL 样品注入 1 mL 2 mol/L KOH
乙醇(体积分数 50%; - 20 ℃) 溶液中,终止细胞代 谢。70 ℃加热 7 min,冷却至 0 ℃后用 HCl(1 mol/L) 滴定中和,离心(12 000 r/min, 10 min, 4 ℃) 保留 上清液,立即进入酶循环反应。

3) 方法 3:3 mL 样品注入 1 mL 2 mol/L KOH 乙醇(体积分数 50%; - 20 ℃)溶液中,终止细胞代 谢。加入等体积玻璃珠(D 0.5 mm), 30 s 振荡、30 s 冰浴重复操作 8 次, 70 ℃保温 7 min, 破坏细胞及 NAD⁺ 的同时提取 NADH。冰浴条件下用 H Cl(1 m ol/L)滴定提取液 pH 7.0, 离心保留上清液, 立即 酶循环反应进行测定。

2 结果与讨论

2.1 酶循环法反应体系的确立

现有文献报道中所使用的酶循环法反应体系 各有不同^[10,12],实验中以标准品 NAD⁺ 反应速率为 指标考查 2 种不同的反应体系,从而确立较为合适 的酶循环反应体系。2 种体系的组成成分及规格见 表 1,其中乙醇脱氢酶最后加入以启动反应。不同 反应体系下测定 NAD⁺ 标准品的反应速率。结果 表明: 体系 1 反应速度快,体系 2 相对较慢。

表1 两种反应酶循环反应体系

Tab. 1	Two type	of enzymatic	cycling	system
--------	----------	--------------	---------	--------

组成	体系 1		体系 2		
成分	规格(本积/╙L	规格	体积/µL	
Bicine buffer	1 0 mol/ L (pH & 0)	200	0.1 mol/L (pH 7.4)	2000	
EDT A	15.2 g/L (pH 8.0)	200	_	_	
PES	5.6 g/L	400	4.0 g/ L	200	
МТТ	1.7 g/L	200	5.0 g/ L	100	
EtOH	分析纯	200	分析纯	75	
Sample	-	100	-	50	
ADH	150 U	50	100 U	20	

NAD⁺ 标准品浓度范围为 0. 01~ 0. 04 mmol/ L, 体系 1 条件下的反应动力学过程见图 2。



© 1994-2012 China Academic Journal Electronic Publishing House. All rights reserved. http://www.cnki.net





该体系条件下反应迅速, 2~3 min 内吸光值超 过有效测定范围, 得到的辅酶浓度与反应速率标准 曲线为: $y = 4.505 \ 6x - 0.005(R^2 = 0.983 2)$ 。其中 相关系数 R^2 较低, 可能由于过快的反应速度导致较 大的测定误差。体系 2 实验结果表明, 体系 2 中酶 反应速率较低, 15 min 内仍能保持反应速率稳定, 吸光值与时间呈良好的线性关系且吸光值未超过 有效的测定范围。

如图 3 所示,当标品浓度为 0 04 mmol/L 时, 反应速率仅为 0 0022($\Delta A 570 \text{ nm} / \Delta S$)。然而在反应 体系 1 条件下,当标品浓度为 0 01 mmol/L 时,反 应速率已经达到 0 003($\Delta A 570 \text{ nm} / \Delta S$)。由体系 2 得 到的 NAD⁺ 标准曲线为 y = 0 318 3x - 0 000 8(R^2 = 0 996 6),相关系数高。因此酶循环反应体系 2 更加适合于辅酶浓度的测定,可减小测量误差,使 检测结果准确率更高。



© 1994-2012 China Academic Journal Electronic Publishing House. All rights reserved. http://www.cnki.net

tem []

2 2 辅酶提取方法探讨

2 2 1 辅酶 NAD⁺ 的 提取方法 NAD⁺ 在酸性条件下稳定, 酸的水溶液可用于提取生物细胞内辅酶 NAD^{+ [9-10]}。作者主要考察乙醇发酵中酿酒酵母细胞辅酶 NAD⁺ 的 3 种提取方法。

方法 1 处理样品的酶循环反应速率为 0, 说明 单纯加盐酸加热方法不能有效提取出真菌酵母细 胞的辅酶。可能由于提取体系中的盐酸不能有效 增加细胞膜的通透性, 不足以破坏酿酒酵母的细胞 结构, 导致提取失败, 因此盐酸不适合于酵母细胞 内氧化型辅酶的提取。

方法2分别进行3组实验考察不同的冻融次数 对辅酶 NAD⁺提取的影响,不同冻融次数下细胞破 碎程度可能有差别。冻融次数分别为1次,2次,3 次,样品反应速率结果见图4。





由图 4 可知, 冻融一次的样品酶循环反应速率 为 0, 即未能提取出胞内的 NAD⁺。冻融 2 次与 3 次处理的样品酶反应速率相似, 表明冻融 2 次就可 以高效的破碎细胞, 提取胞内的 NAD⁺。对照标准 曲线得到的辅酶浓度见表 2。

表 2 不同处理方法所得样品的胞内 NAD⁺ 浓度

Tab. 2 Concentrations of NAD⁺ in samples obtained from different pretreatment methods

预处理方法	NAD⁺ 浓度 / (mmol/L)	NAD ⁺ 摩尔质量 / (mmol/g)
一个冻融循环	0	0
两个冻融循环	0.022 2	0. 004 8
三个冻融循环	0.019 7	0.0042
珠磨破碎 8 min	0.026 6	0.0059
珠磨破碎 10 min	0.024 2	0.0053
珠磨破碎 13 min	0.027 0	0. 005 9

方法 3 主要探讨了振荡时间对提取 NAD⁺ 的 影响,不同的振荡时间可能会对细胞破碎率产生影 响。30 s 振荡、30 s 冰浴反复间歇操作分别为 8、 10、13 次,即破碎时间分别为 8、10、13 min,处理后 样品所测定的辅酶的反应动力学如图 5。由图 5 可 知, 8~13 min 处理的样品测定反应速率一致,表明 8 min 已经能够完全破碎酵母细胞并有效提取酵母 细胞内的辅酶 NAD⁺。

运用方法2与方法3提取相同样品的细胞内辅 酶,浓度测定结果见表 2。珠磨破碎法处理的样品 浓度(0.0059 mmol/g)(以 DCW 计)要稍高于冻融 循环破碎法处理样品的浓度(0.0048 mmol/g)(以 DCW 计),表明珠磨破碎法能够更高效的提取胞内 辅酶 NAD⁺。并且珠磨破碎辅助加高氯酸加热提 取方法处理样品的总时间仅 15 min. 而反复冻融法 至少需要2h,较长的操作时间内环境因素可能会 导致氧化还原型辅酶的相互转化及辅酶的降解,因 此方法3有效避免了长时间操作带来的不利影响 并且操作简便。方法 3 中设计了标准品的对照组 实验,其中 0.020 mmol/L NAD⁺ 标准品经过相同 提取条件处理后测定浓度为 0.020 mm ol/L(实验 重复 3 次,标准偏差为 ±0 001),0 020 mm ol/L NADH 标准品经过相同提取条件酸处理后酶循环 反应速率几乎为零.即提取过程不会造成辅酶 NAD^+ 的损失并能完全破坏 NADH, 从而实现了辅 酶 NAD⁺ 的高效检测。实验结果表明, 珠磨破碎细 胞辅助加高氯酸方法能够有效提取乙醇发酵样品 中酿酒酵母细胞的辅酶 NAD⁺。

2 2 2 辅酶 NADH 的提取方法 NADH 在碱性 条件下稳定,利用碱溶液可提取胞内 NADH,在已 有文献报道基础上^[8,15],作者考察了辅酶 NADH 样 品的 3 种处理方法。

方法 1 处理的样品进行酶反应速率为 0, 即利 用碱的水溶液加热提取酵母胞内 NADH 不可行。 该方法不足以破坏酵母细胞结构, 不能增加细胞膜 的通透性, 从而无法有效地提取出辅酶 NADH。







方法 2 中 KOH 溶液中含有乙醇, 能够破坏酵 母细胞膜增加膜通透性, 因此辅以加热可能会得到 较为理想的结果。作者考察碱溶液用量与样品的比 例(由1:3 增加至1:1), 对辅酶 NADH 提取的影响 以及不同处理方法测定的酶反应动力学见图 6。





由于 KOH 浓度的差异, 中和时加入的酸量不 同, 导致样品的稀释率有所不同, 样品中细胞干重 为 5. 6 g/L。当 KOH 与样品比例为 1: 3 时, 测得 NADH 浓度为 0. 008 mmol/g (以 DCW 计); 而 KOH 与样品比例为 1: 1 时, 测定样品中 NADH 为 0. 006 4 mmol/g(以 DCW 计)。当 KOH 与样品 比例为 1: 3 时已经能够有效的提取胞内的辅酶, KOH 浓度过大反而不利于胞内 NADH 的提取, 这 可能与 NADH 的不稳定性有关。

按照方法 3 提取样品进行酶循环反应测定, 得 到胞内的 NADH 摩尔质量为 0.009 mmol/g(以 DCW 计)。比较以上 3 种方法可见, 方法 3 最适合 胞内辅酶 NADH 的测定。而 0 02 mmol/L 标准品 对照实验同样表明方法 3 能较完全的提取辅酶 NADH,并有效破坏氧化型辅酶(NAD⁺)。这种胞 内 NADH 提取方法与 NAD⁺ 提取方法采用相同的 物理辅助破碎方法, 达到相同的细胞破碎效率, 可

292

以有效减小提取过程中的系统误差。

至此建立了完整且高效的检测乙醇发酵中酵 母细胞内的辅酶 NAD⁺ 及 NADH 的方法。进一步 利用这套方法测定 2.5 L 乙醇发酵体系中酿酒酵母 辅酶的浓度,考察不同胞外氧化还原状态下胞内的 辅酶水平。

223 2.5 L 发酵罐乙醇发酵过程中辅酶的测定 为探究方法的稳定性和可行性,实验考察了25
L 发酵罐乙醇发酵过程中,不同氧化还原状态下酵 母细胞内辅酶 NAD⁺ 和 NADH 的水平。接种后5
h 后,酵母细胞生物量为9.5 g/L,胞外氧化还原电 位80 mV。培养8h 取样,测得酵母生物量为100
g/L,胞外氧化还原电位为-200 mV。分别检测这 两种不同氧化还原状态下胞内辅酶浓度,两种状态 下的3份平行样品测 NAD⁺及 NADH 样品的预处 理方法均为提取方法 3。

酶循环反应 NAD⁺ 及 NADH 的标准曲线分别 为:

 $y = 0.368 2x - 0.021(R^2 = 0.994 1), 其中 x$ 为样品酶反应速率($\Delta A 570 \text{ nm}/\Delta S$), y 为辅酶浓度(mmol/L)。

 $y = 0.3769x - 0.0002(R^2 = 0.9975), 其中 x$ 为样品酶反应速率($\Delta A 570 \text{ nm}/\Delta S$), y 为辅酶浓度(mmol/L)。

不同 ORP 水平下胞内 NAD⁺ 及 NADH 浓度 见表 3。

	表 3 不同 ORP 水平下胞内 NAD⁺及 NADH 浓度	
Tab. 3	Intracellular NAD ⁺ and NADH contents under different ORP leve	łs

氧化还原 电位/ mV	NAD⁺ ª 浓度 / (mmol⁄ L)	NAD ⁺ 摩尔质量 / (mmol/g)	NADH °浓度 / (mmol/ L)	NADH⁺ 摩尔质量 / (mmol/g)	N AD ⁺ / NA DH	NAD⁺ + NADH 摩尔质量/ (mmol/g)
80	$0.055\ 1\pm 0.000\ 15$	0.005 8	0.050 4±0.000 10	0.005 3	1. 280	0.0110
- 200	$0.051 \ 0 \pm 0.000 \ 21$	0.005 1	0.057 0±0.000 15	0.005 7	0. 869	0.0108

*平均值土标准偏差

NAD⁺ 及 N ADH 浓度与文献[8] 处于相近水 平。结果显示:不同氧化还原状态下酿酒酵母 NAD⁺ 及 NADH 总量没有显著差异,但氧化型与 还原型辅酶的比例却有所不同。停止通氧后,酵母 细胞内还原型辅酶浓度相对增多,而氧化型辅酶浓 度减少,表明此时细胞处于相对还原的的状态。

不同氧化还原状态下实验结果进一步表明,作 者建立的酿酒酵母细胞 NAD⁺ 及 NADH 浓度测定 方法是可行的。这套提取方法为分析乙醇发酵体 系中细胞代谢情况提供了方法上的保障,也为深入 探讨氧化还原电位控制对于乙醇发酵影响提供了 基础。 反应速率,确定体系2可提供合适的反应速率,使 辅酶的酶循环法测定更加精确。通过对酸碱加热 提取、反复冻融破碎提取及珠磨破碎提取方法的研 究,表明珠磨破碎8min、辅助加酸/碱加热处理7 min提取酵母细胞胞内辅酶的方法简便易行,快速 且准确。同时,25L发酵罐乙醇发酵体系中的测 定结果进一步肯定了方法的可行性和准确性。作 者所建立的NAD⁺和NADH 高效提取、准确测定 方法为分析乙醇发酵体系中酵母细胞胞内代谢水 平提供了方法上的保障。

3 结 语

作者通过考察两种酶循环反应体系下辅酶的

参考文献(References):

- [1] Canelas AB, VanGulik WM, Heijnen JJ. Determination of the cytosolic free NAD/ NADH ratio in Saccharomyces cerev isiae under steady-state and highly dynamic conditions [J]. Biotechnol Bioeng, 2008, 100: 734-743.
- [2] Pham TH, Mauvais G, Vergoignan C, et al. Gaseous environments modify physiology in the brewing yeast Saccharomyces cerevisiae during batch alcoholic fermentation [J]. J Appl Microbiol, 2008, 105:858-874.
- [3] Bakker BM, Overkamp KM, VanMaris AJ, et al. Stoichiometry and compartmentation of NADH metabolism in *Saccha*-© 1994-2012 China Academic Journal Electronic Publishing House. All rights reserved. http://www.cnki.net

romyces cerevisiae [J]. FEMS Microbiol, 2001, 25:15-37.

- [4] Rigoulet M, Aguilaniu H, Avret N, et al. Organization and regulation of the cytosolic NADH metabolism in the yeast Saccharomyces cerevisiae[J]. Mol Cell Biochem, 2004, 256: 73-81.
- [5] Franzen CJ. Metabolic flux analysis of RQ-controlled microaerobic ethanol production by Saccharomyces cerevisiae [J].
 Yeast, 2003, 20: 117-132.
- [6] Du CY, Zhang YP, Li Y, Cao ZA. Use oxidoreduction potential as an indicator to regulate1, 3 propanediol fermentation by *Klebsiella pneumoniae*[J]. Appl Microbiol Biotechnol, 2006, 69: 554-563.
- [7] Menzel K, Ahrens K, Zeng A, et al. Kinetic, dynamic, and pathway studies of glycerol metabolism by *Klebsiella pneumoniae* in anaerobic continuous culture: IV. enzymes and fluxes of pyruvate metabolism [J]. Biotechnol Bioeng, 1998, 60: 617-626.
- [8] Mailinger W, Baumeister A, Reuss M, et al. Rapid and highly automated determination of adenine and pyridine nucleotides in extracts of Saccharomyces cerevisiae using a micro robotic sample preparation HPLC system [J]. J Biotechnol, 1998, 63: 155-157.
- [9] Miller RH, Loffhagen N, Babel W. Rapid extraction of (di) nucleotides from bacterial cells and determination by ion-pair reversed phase HPLC [J]. Journal of Microbiological Methods, 1996, 25: 29-35.
- [10] Theobald U, Mailinger W, Baltes M, et al. In vivo analysis of metabolic dynamics in Saccharomyces cerevisiae: I. experimental observations [J]. Biotechnol Bioeng, 1996, 55: 305-316.
- [11] Yamada K, Hara N, Shibata T, et al. The simultaneous measurement of nicotinamide adenine dinucleotideand related compounds by liquid chromatography/ electrospray ionization tandem mass spectrometry [J]. Analytical Biochemistry, 2006, 352: 282-285.
- [12] T JW, Wimpenny, Firth A. Levels of nicotinamide adenine dinucleotide and reduced nicotinamide adenine dinucleotide in facultative bacteria and the effect of oxygen[J]. J Bacteriol, 1972, 111: 24-32.
- [13] Bernowsky C, Swan M. An improved cycling assay for nicotinamide adenine dinucleotide [J]. Anal Biochem, 1973, 53: 452-458.
- [14] Verduyn C, Postma E, Dijken J. Physiology of Saccharornyces cerevisiae in anaerobic glucose-limited chemostat cultures
 [J]. J Gen Microbiol, 1990, 136: 395-403.
- [15] 李建, 陈可泉, 黄秀梅, 等. 厌氧发酵有机酸体系中 NAD⁺ 和 NADH 测定方法的建立[J]. 食品科技, 2008, 33(12): 254
 257.

LI Jian, CHEN Kequan, HUANG Xin-mei, et al. Establishment of the determination of NAD and NADH in the anaerobic fermentation of organic acids [J]. Food Science and Technology, 2008, 33(12): 254–257. (in Chinese)

简 讯:

"2011 微生态与健康生活方式国际论坛"在上海举行

2011 年 3 月 23 日,第十五届中国国际食品添加剂和配料展览会(FIC 2011)暨第二十一届全国食品添加剂生产应用技术展示会在上海举行。来自 20 多 個家和地区的 1000 多家参展公司、几十家新闻媒体云集上海光大会展中心。

会议期间,国家生物产业(德州)基地、中国发酵工业协会携手中国乳制品工业协会、中国焙烤 食品糖制品协会、中国食品添加剂和配料协会及保龄宝生物股份有限公司在上海光大会展中心成 功举办了"2011 微生态与健康生活方式国际论坛",本刊编辑部应邀出席了此次会议。